

ALGORITMI GENETICI

Dr. George Daniel Mateescu*
Corina Sâman*
Mihai Buneci*

Noțiuni introductive

Un algoritm genetic reprezintă o transpunere în programare a unor principii biologice. Structura unui astfel de algoritm este descrisă prin următorii pași:

- Pasul 1.** generează populația inițială
- Pasul 2.** generează urmașii (*off-spring*)
- Pasul 3.** aplică mutații genetice
- Pasul 4.** selectează o parte a populației care părăsește sistemul
- Pasul 5.** repetă pașii 2, 3, 4, până la satisfacerea unui criteriu de optimalitate (sau de un anumit număr de ori)

Formularea algoritmului este foarte generală, iar programatorul trebuie să-și adapteze propriul model, astfel:

Populația

Aceasta este, din punct de vedere matematic, mulțimea soluțiilor posibile ale problemei. De exemplu, pentru cazul în care se modelează o problemă de minim (sau de maxim) pentru o funcție $f: \mathbb{R}^m \rightarrow \mathbb{R}$, atunci orice obiect $(x_1, x_2, \dots, x_m) \in \mathbb{R}^m$ reprezintă o soluție posibilă. În consecință, în acest caz, orice submulțime $P \subseteq \mathbb{R}^m$ reprezintă, din punctul nostru de vedere, **populația** unui algoritm genetic.

Indivizii

Populația este formată din indivizi; din punct de vedere matematic, indivizii sunt elementele mulțimii Π . La rândul său, fiecare individ este caracterizat de trăsăturile sale, de zestrea sa cromozomială. Astfel, revenind la exemplul problemei de optimizare, este ușor de observat că un individ (adică un punct din \mathbb{R}^m) este complet determinat de coordonatele sale, respectiv de valorile x_1, x_2, \dots, x_m . Desigur, fiecare coordonată va influența valoarea funcției care se minimizează (maximizează).

Urmașii (generația nouă, *off-spring*)

Această noțiune modelează un procedeu de modificare (îmbogățire) a mulțimii Π . Putem înțelege mai bine această situație dacă o comparăm cu alte metode de calcul. De exemplu, anumite metode numerice determină soluția prin intermediul unui șir de valori (definite, eventual, iterativ) ceea ce reprezintă, de asemenea, o situație de îmbogățire a unei mulțimi, prin construcția, succesivă, de noi valori. De asemenea, metodele de simulare cunosc modalități de creare a de noi entități, adecvate unei anumite probleme.

Modul de generare a urmașilor depinde, intrinsec, de problema modelată, fără să existe un procedeu general. Astfel, pentru problema de optimizare a funcției f descrise mai sus, putem

* Institutul de Prognoză Economică, Academia Română, e-mail: ipe@ipe.ro

considera ca un urmaș provine din alăturarea componentelor (trăsăturilor cromozomiale) preluate de la doi “părinți”. Matematic, dacă vom considera doi indivizi:

$$(x_1, x_2, \dots, x_k, x_{k+1}, \dots, x_m)$$

$$(y_1, y_2, \dots, y_k, y_{k+1}, \dots, y_m)$$

atunci, printr-un procedeu inspirat din mecanismul *cross-over*, putem imagina doi urmași, de forma:

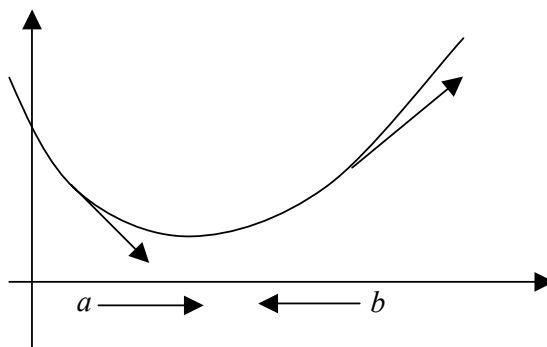
$$(x_1, x_2, \dots, x_k, y_{k+1}, \dots, y_m)$$

$$(y_1, y_2, \dots, y_k, x_{k+1}, \dots, x_m)$$

obținuți prin “divizarea lanțului cromozomial” în poziția k .

Mutații genetice

Orice modificare “suficient de mică” a unui “cromozom” reprezintă o mutație genetică. Astfel de mutații pot fi haotice (întâmplătoare) sau pot fi urmarea unor așa-numite achiziții genetice. Desigur, modelul cel mai adecvat de mutație genetică va putea fi ales numai în funcție de problema modelată. În cazul particular al unei probleme de optimizare, cea mai potrivită cale de reprezentare a mutațiilor genetice este constituită de așa numita deplasare pe direcția gradientului. Justificarea unui astfel de procedeu se regăsește în metodele numerice cunoscute, de tip *Newton*, în care determinarea soluției se face printr-o deplasare pe o **direcție** care ține cont de gradientul funcției.



Imaginea de mai sus este sugestivă, astfel, dacă vrem să determinăm minimumul funcției și ne aflăm în punctul a , atunci va trebui să „ne deplasăm” spre dreapta, ceea ce corespunde unui sens crescător, invers față de semnul derivatei (gradientului) funcției în punctul a . Dacă ne aflăm în punctul b , atunci va trebui să realizăm o deplasare spre stânga, ceea ce reprezintă un sens descrescător, invers semnelui derivatei (gradientului) funcției în punctul b .

Strategia de deplasare care ține seama de direcția gradientului poate fi extinsă pentru cazul funcțiilor de mai multe variabile, prin deplasări în raport cu fiecare coordonată, corespunzător semnelui (direcției) derivatei parțiale a funcției obiectiv, în raport cu respectiva coordonată.

Mutațiile genetice sunt deosebit de importante pentru convergența algoritmului, pentru probleme concrete, așa cum am demonstrat în [2].

Selecția

Acest pas reprezintă modul în care anumiți indivizi ies din sistem. Alegerea unui procedeu de ieșire din sistem ține de problema modelată. Astfel, este cu totul natural ca pentru o problemă de optimizare, clasificarea populației să se facă în funcție de valoarea corespunzătoare

a funcției obiectiv. Această funcție devine, necesar, o funcție de performanță, prin intermediul căreia se va decide ieșirea din sistem a indivizilor.

Concret, pentru o problemă de minimizare a unei funcții f , vom clasifica indivizii *creșcător*, în funcție de valoarea corespunzătoare a funcției f și vom elimina surplusul de populație, rezultat ca urmare a generării de „urmași”. Pentru o problemă de maximizare vom clasifica indivizii în ordinea descrescătoare a valorilor funcției obiectiv.

Finalitatea

Evident, ca în orice algoritm, trebuie să existe un test de terminare a acestuia. Finalitatea este determinată de scopul urmărit, deci nu se poate indica o strategie generală. Pentru probleme de optimizare, așa cum am arătat în lucrarea [2] se poate folosi un test similar cu estimarea *a posteriori* a erorii, cunoscută în probleme de calcul numeric. Astfel, dacă notăm prin x_n individul cu cea mai bună performanță al generației a n -a, atunci un test de oprire a algoritmului poate fi de forma:

$$|f(x_{n-1}) - f(x_n)| < \varepsilon$$

Programarea unui algoritm de optimizare, prin algoritm genetic

Considerăm următoarea problema de optimizare:

$$\begin{aligned} \min f(x, z, y) \\ f(x, z, y) = (x-1)^2 + (y-2)^2 + (z-4)^2 \end{aligned}$$

Pentru a determina soluția printr-un algoritm de tip genetic, vom modela conceptele expuse privind populația, urmașii, mutațiile genetice și selecția.

Am ales acest exemplu pentru că cititorul poate înțelege și poate verifica programele, comparând soluția obținută prin algoritm, cu soluția exactă, în cazul dat $x = 1, y = 2, z = 4$.

Având în vedere că un algoritm genetic este un procedeu de determinare aproximativă, utilizatorul va accepta, ca soluție, orice aproximare suficient de fină a soluției exacte.

Populația. Orice submulțime din R^3 poate juca rolul de populație, orice punct de coordonate (x, y, z) putând fi o soluție posibilă. Inițial, vom genera populația în mod aleator. Pe parcursul algoritmului, vom considera că populația are un număr fix de indivizi (1000 în exemplul dat) și vom menține acest număr, prin eliminarea excesului de populație, în baza criteriului de optimalitate.

Drept suport de programare am ales limbajul *Pascal*, astfel încât definiția populației revine la o lista de forma:

```
var  
pop:array[1..1200,1..4] of real;
```

Fiecare linie a matricei `pop` reprezintă un individ. Pentru fiecare individ, primele trei componente reprezintă coordonatele x, y, z , în accepțiunea “genetică” a algoritmului aceasta fiind zestrea sa cromozomială. Cea de-a patra componentă din fiecare linie a matricei, corespunzătoare unui individ, va conține valoarea funcției de performanță, respectiv $f(x, y, z)$.

Schematic, matricea populației se prezintă în forma:

x_1	y_1	z_1	$f(x_1, y_1, z_1)$
x_2	y_2	z_2	$f(x_2, y_2, z_2)$
...
x_n	y_n	z_n	$f(x_n, y_n, z_n)$

Funcția de performanță. Având în vedere specificul problemei, funcția de performanță este chiar $f(x, z, y) = (x-1)^2 + (y-2)^2 + (z-4)^2$, iar programarea acesteia se face ținând cont de sintaxa specifică a limbajului *Pascal*:

```
function f(x,y,z:real):real;
begin
  f:=sqr(x-1)+sqr(y-2)+sqr(z-4);
end;
```

Selecția. Aceasta este necesară pentru a păstra numărul de indivizi la nivelul inițial de 1000. La fiecare generație vom adăuga 200 de urmași, după care vom elimina surplusul având drept criteriu valoarea funcției de performanță. Deoarece această valoare este plasată în a patra poziție a fiecărei linii, urmează să aplicăm un procedeu de ordonare descrescătoare a liniilor matricei `pop`, în funcție de valoarea aflată pe ultima coloană.

Algoritmul folosit este o transpunerea cunoscutei metode a bulelor, în care, prin parcurgeri succesive ale liniilor matricei, elementul de valoare minimă avansează în jos. Sortarea este implementată în procedura care urmează.

```
procedure ordonare;
var
  i,j,h:integer;
  test:boolean;
  x:real;
begin
  for h:=1199 downto 1 do
    for i:=1 to h do
      if pop[i,4]>pop[i+1,4] then
        for j:=1 to 4 do
          begin
            x:=pop[i,j]; pop[i,j]:=pop[i+1,j];pop[i+1,j]:=x;
          end;
        end;
    end;
end;
```

Inițializarea. Populația inițială este generată aleator, folosind generatorul de numere aleatoare al limbajului *Pascal*. Pentru fiecare individ, după generarea aleatoare a componentelor sale (coordonate) se calculează valoarea funcției de performanță, care este plasată în ultima poziție.

```
procedure initializare;
var i,j:integer;
begin
  randomize;
  for i:=1 to 1200 do for j:=1 to 3 do pop[i,j]:=10*random;
  for i:=1 to 1200 do pop[i,4]:=f(pop[i,1],pop[i,2],pop[i,3]);
end;
```

Mutațiile genetice. După cum am menționat, mutațiile genetice joacă un rol cheie în algoritm, deoarece, așa cum am văzut în [2] de îndată ce inițiem mutații genetice pe direcția gradientului funcției obiectiv, algoritmul este convergent. La rândul său, gradientul poate fi calculat folosind o formulă de calcul aproximativ, pentru fiecare derivată parțială:

$$\frac{\partial f}{\partial x} \approx \frac{f(x+h, y, z) - f(x, y, z)}{h}$$

$$\frac{\partial f}{\partial y} \approx \frac{f(x, y+h, z) - f(x, y, z)}{h}$$

$$\frac{\partial f}{\partial z} \approx \frac{f(x, y, z+h) - f(x, y, z)}{h}$$

După cum se știe, precizia aproximării în formulele de mai sus este de același ordin de mărime cu h . Pe de altă parte, mutațiile genetice trebuie să fie variații mici ale coordonatelor, astfel încât am folosit expresiile: $-0.001 \cdot \text{sgn} \frac{\partial f}{\partial x}$, $-0.001 \cdot \text{sgn} \frac{\partial f}{\partial y}$ respectiv $-0.001 \cdot \text{sgn} \frac{\partial f}{\partial z}$ pentru coordonatele corespunzătoare.

```

procedure mutatie;
var i,n,m:integer;
begin
  for i:=1 to 20 do begin
    n:=1+random(1000);
    if
      f(pop[n,1]+0.001,pop[n,2],pop[n,3])>f(pop[n,1],pop[n,2],pop[n,3])
    then pop[n,1]:=pop[n,1]-0.001 else pop[n,1]:=pop[n,1]+0.001;
    if
      f(pop[n,1],pop[n,2]+0.001,pop[n,3])>f(pop[n,1],pop[n,2],pop[n,3])
    then pop[n,2]:=pop[n,2]-0.001 else pop[n,2]:=pop[n,2]+0.001;
    if
      f(pop[n,1],pop[n,2],pop[n,3]+0.001)>f(pop[n,1],pop[n,2],pop[n,3])
    then pop[n,3]:=pop[n,3]-0.001 else pop[n,3]:=pop[n,3]+0.001;
    pop[n,4]:=f(pop[n,1],pop[n,2],pop[n,3]);
  end;
end;

```

Urmașii (off spring). Pentru doi indivizi, x, y , identificați prin liniile m și n ale matricei populației, am generat doi „urmași” folosind mecanismul *cross-over*, astfel:

$$z_1 = x_1, z_2 = y_2, z_3 = y_3, \text{ respectiv } z_1 = x_1, z_2 = x_2, z_3 = y_3$$

Indivizii obținuți sunt plasați pe liniile de la 1001 la 1200 ale matricei astfel încât, după sortare în funcție de performanță, numărul de indivizi rămâne constant, corespunzător liniilor 1..1000 ale matricei **pop**.

```

procedure generatie;
var i,j,k,m,n:integer;
begin
  for i:=1001 to 1100 do
    begin
      m:=1+random(20);n:=1+random(20);
      pop[i,1]:=pop[m,1];
      pop[i,2]:=pop[n,2];
      pop[i,3]:=pop[n,3];
      pop[i,4]:=f(pop[i,1],pop[i,2],pop[i,3]);
      pop[i+100,1]:=pop[n,1];
    end;
end;

```

```

    pop[i+100,2]:=pop[n,2];
    pop[i+100,3]:=pop[m,3];
    pop[i+100,4]:=f(pop[i+100,1],pop[i+100,2],pop[i+100,3]);
end;
end;

```

Programul propriu-zis, care rezolvă problema, constă în execuția repetată a procedurilor corespunzătoare algoritmului genetic:

```

var i:integer;
begin
    initializare;
    for i:=1 to 300 do begin
        generatie;
        mutatie;
        ordonare;
    end;
    writeln(pop[1,1], ' ', pop[1,2], ' ', pop[1,3], ' ', pop[1,4]);
    readln;
end.

```

Calculul parametrilor funcției de regresie

Vom prezenta în continuare o aplicație a programării genetice pentru determinarea parametrilor unei funcții de regresie. Problema model utilizează următorul cadru:

$x_i, i = 1..n$ serie de valori (date) independente
 $y_i, i = 1..n$ serie de valori (date) dependente
 $y = ax + b$ relația de dependență prezumată

Problema constă în determinarea parametrilor a și b , care minimizează suma pătratelor erorilor (diferențelor) dintre valorile statistice (observate) y_i și cele rezultate din relația de dependență prezumată, respectiv, $ax_i + b$.

Considerăm funcția: $\varphi(a, b) = \sum_{i=1..n} (y_i - ax_i - b)^2$ iar problema devine:

$$\min \varphi(a, b)$$

adică o problemă de optimizare pentru care se poate aplica algoritmul (și programul) anterior.

Desigur, pentru regresii de tip liniar, ca cea de mai sus, există formule de determinare a parametrilor a și b . Pe de altă parte, se observă că prin aplicarea unui algoritm de tip genetic, putem determina parametrii unei funcții arbitrare, indiferent dacă există sau nu există formule de determinare.

Ne propunem să utilizăm o dependență de tipul:

$$y = a + bx + cx^2$$

și observăm cu ușurință că determinarea parametrilor a, b, c se face prin minimizarea funcției:

$$f(a, b, c) = \sum_{i=1..n} (y_i - a - bx_i - cx_i^2)^2$$

Adaptarea algoritmului genetic deja prezentat se reflectă în elementele următoare.

În plus față de variabilele globale ale programului anterior, am introdus variabilele v_x și v_y , care corespund, respectiv, variabilei independente x și variabilei dependente y . Aceste variabile vor fi citite din fișierul `c:\date.dat`, identificat prin descriptorul `date`.

```
var
  pop:array[1..1200,1..4] of real;
  date : text;
  nr : integer;
  vx,vy:array[1..100] of real;
```

Adaptarea funcției de performanță se face în conformitate cu problema de minimizare a sumei abaterilor pătraticе, respectiv metoda celor mai mici pătrate.

```
function f(x,y,z:real):real;
var
  s:real;
  i:integer;
begin
  s:=0; for i:=1 to nr do
    s:=s+sqr(vy[i]-x-y*vx[i]-z*sqr(vx[i]));
  f:=s;
end;
```

Inițializarea datelor problemei și a populației conține, în plus față de programul anterior, procedura de inițializare (citire) a valorilor seriilor de date.

```
procedure initializare;
var i,j:integer;
begin
  assign(date,'c:\date.dat');
  reset(date);
  readln(date,nr);
  for i:=1 to nr do readln(date,vx[i],vy[i]);
  close(date);
  randomize;
  for i:=1 to 1200 do for j:=1 to 3 do pop[i,j]:=random;
  for i:=1 to 1200 do pop[i,4]:=f(pop[i,1],pop[i,2],pop[i,3]);
end;
```

Sisteme de ecuații neliniare

Tehnica de programare genetică poate fi aplicată pentru determinarea soluțiilor sistemelor de ecuații neliniare. Pentru un astfel de sistem, scris formal:

$$\begin{cases} F_1(x_1, x_2, \dots, x_m) = 0 \\ F_2(x_1, x_2, \dots, x_m) = 0 \\ \dots \\ F_m(x_1, x_2, \dots, x_m) = 0 \end{cases}$$

vom considera $f(x_1, x_2, \dots, x_m) = \sum_{i=1..m} (F_i(x_1, x_2, \dots, x_m))^2$, iar sistemul de ecuații dat este echivalent cu problema de optimizare:

$$\min f(x_1, x_2, \dots, x_m)$$

De exemplu, pentru determinarea soluției sistemului de ecuații neliniare:

$$\begin{cases} -x + y^2 - z = -1 \\ x + 2yz - z = 2 \\ xy - y - 9z = -9 \end{cases}$$

vom avea $f(x, y, z) = (-x + y^2 - z + 1)^2 + (x + 2yz - z - 2)^2 + (xy - y - 9z + 9)^2$.

Singura deosebire față de primul program constă în descrierea funcției de performanță, în limbajul **Pascal**:

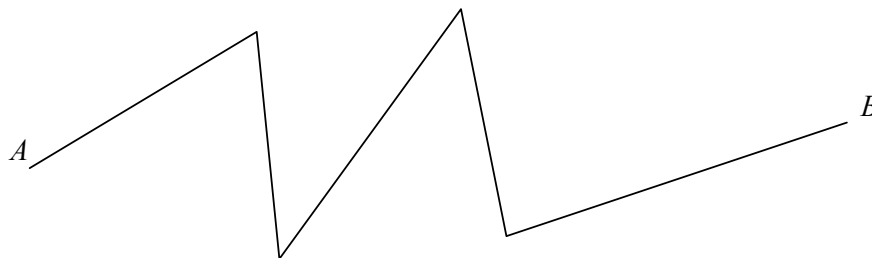
```
function f(x,y,z:real):real;
begin
  f:=sqr(-x+sqr(y)-z+1)+sqr(x+2*y*z-z-2)+sqr(x*y-y-9*z+9);
end;
```

O problemă de optimizare discretă: problema comis-voiajorului

Sub acest nume este cunoscută o problemă, semnificativă, prin care ne propunem să determinăm un drum de cost minim într-un graf. Formularea acesteia se face prin referire la următoarea situație practică:

Se presupune că un comis-voiajor trebuie să viziteze un număr de n orașe, pornind din orașul A și având ca destinație finală orașul B . Deplasarea între oricare două orașe este condiționată de un anumit cost. Se cere să se determine traseul optim, adică acel traseu care parcurge toate orașele, costul total al deplasării fiind minim.

Pentru început, vom observa că numărul total de trasee este egal cu $n!$ ceea ce face ca determinarea traseului optim, printr-o metodă exhaustivă, să fie imposibilă, chiar pentru valori modeste ale lui n .



Problema poate fi modelată în conformitate cu principiile genetice, deja expuse.

Vom începe cu noțiunea de individ. Așa cum am observat, un individ reprezintă o soluție posibilă a problemei date. În consecință, vom considera că un traseu complet, de la A la B , care trece prin toate orașele, reprezintă un individ. Așadar, codificarea unui individ se prezintă sub forma:

$$A O_{i1} O_{i2} \dots O_{in} B$$

Costul deplasării între două orașe va fi reținut în matricea de adiacență **a**, în care elementul **a[i,j]** conține o valoare numerică ce reprezintă costul deplasării de la orașul „i” la orașul „j”. Nu este neapărat necesar ca **a[i,j]=a[j,i]**.

În exemplul considerat (în program) am folosit un model care are 14 orașe, primul și ultimul fiind fixate (*A* și *B*). Populația este reprezentată prin matricea **pop**, fiecare linie reprezentând un individ (traseu) iar pe ultima poziție a fiecărei linii se află, calculat, costul traseului respectiv.

```
var
  pop:array[1..1200,1..15] of integer;
  a:array[1..14,1..14] of integer;
  date:text;
```

Funcția de performanță calculează costul total al deplasării, corepunzătoare unui individ (traseu posibil).

```
function f(i:integer):integer;
var s,j:integer;
begin
  s:=0;
  for
    j:=2 to 14 do
    s:=s+a[pop[i,j-1],pop[i,j]];
  f:=s;
end;
```

Clasificarea indivizilor se face în funcție de valorile crescătoare ale funcției de performanță (costul traseului).

```
procedure ordonare;
var
  i,j,h:integer;
  test:boolean;
  x:integer;
begin
  for h:=1199 downto 1 do
    for i:=1 to h do
      if pop[i,15]>pop[i+1,15] then
        for j:=1 to 15 do
          begin
            x:=pop[i,j]; pop[i,j]:=pop[i+1,j];pop[i+1,j]:=x;
          end;
        end;
    end;
end;
```

Datele privind costurile deplasărilor sunt citite din fișier și depuse în matricea **a** (matricea de adiacență a grafului).

Populația inițială este generată aleator, fiecare individ fiind “depus” pe o linie a matricii **pop**. Pe ultima poziție din fiecare linie se plasează costul traseului, calculat cu ajutorul funcției *f*.

```
procedure initializare;
var i,j,k,x:integer;
test:boolean;
begin
  assign(date,'c:\work\a.txt');
  reset(date);
  for i:=1 to 14 do begin
```

```

        for j:=1 to 14 do read(date,a[i,j]);
        readln(date);
    end;
    close(date);
    randomize;
    for i:=1 to 1000 do begin
        for j:=2 to 13 do begin
            repeat
                x:=2+random(12);
                test:=true; for k:=2 to j-1 do if x=pop[i,k] then test:=false;
            until test;
            pop[i,j]:=x;
        end;
        pop[i,1]:=1;pop[i,14]:=14;
    end;
    for i:=1 to 1000 do
        pop[i,15]:=f(i);
    end;
end;
```

Mutațiile genetice au fost modelate prin alegerea, în mod aleator, a unui traseu și inversarea pozițiilor unor orașe, selectate de asemenea aleator.

```

procedure mutatie;
var i,n,m,p,x:integer;
begin
    for i:=1 to 50 do begin
        n:=1+random(1200);
        m:=2+random(12);p:=2+random(12);
        x:=pop[n,m];pop[n,m]:=pop[n,p];pop[n,p]:=x;
        m:=2+random(12);p:=2+random(12);
        x:=pop[n,m];pop[n,m]:=pop[n,p];pop[n,p]:=x;
        pop[n,15]:=f(n);
    end;
end;
```

Generația nouă (*off spring*) este obținută printr-un procedeu *cross-over*. Spre deosebire de problemele (modelele) anterioare, pentru problema comis-voiajorului, nu orice doi indivizi sunt eligibili. Concret, fiind date două trasee care se intersectează, vom crea două noi trasee, astfel:

- primul traseu continuă, de la intersecție, pe cel de-al doilea traseu
- al doilea traseu continuă, de la intersecție, pe primul traseu

Cele două noi trasee sunt permise dacă se parcurg toate orașele; procedura care urmează verifică această condiție.

```

procedure generatie;
var i,j,k,m,n:integer;
test:boolean;
begin
    for i:=1001 to 1100 do
        begin
            repeat test:=true;
                m:=1+random(20);n:=1+random(20);
                k:=1;
                repeat
                    k:=k+1;
                until pop[m,k]=pop[n,k];
                for j:=1 to k do pop[i,j]:=pop[m,j];
            end;
```

```

    for j:=k+1 to 14 do pop[i,j]:=pop[n,j];
  for j:=2 to 13 do
    for k:=2 to 13 do
      if (pop[i,j]=pop[i,k]) and (j<>k) then test:=false;
    for j:=1 to k do pop[i+100,j]:=pop[n,j];
    for j:=k+1 to 14 do pop[i+100,j]:=pop[m,j];
    for j:=2 to 13 do
      for k:=2 to 13 do
        if (pop[i+100,j]=pop[i+100,k]) and (j<>k) then test:=false;
      until test;
      pop[i,15]:=f(i);
      pop[i+100,15]:=f(i+100);
    end;
  end;
end;

```

Programul propriu-zis conține etapele care caracterizează orice algoritm genetic:

```

var i,j:integer;
begin
  initializare;
  for i:=1 to 100 do begin
    generatie;
    mutatie;
    ordonare;
  end;
  for j:=1 to 14 do write(pop[1,j], ' ');
  writeln('cost:',pop[1,15]);
  readln;
end.

```

Bibliografie

- [1]Banzhaf W., Nordon P., Keller R.E., Francone F.D., *Genetic Programming – An introduction*, Morgan Kaufmann Publishers, San Francisco 1998
- [2]Mateescu, G. D.: *Optimization by Using Evolutionary Algorithms with Genetic Acquisitions*, Romanian Journal of Economic Forecasting, 2, 2005
- [3]Stoer J., Bulirsch R., *Introduction to Numerical Analysis*, Springer-Verlag, 1992